

LABOKLIN S.L. · Avenida de la Industria 4 · 28108 Alcobendas

Sr	Resultado Nr.:	2105-M-09288
José Vicente Marti Bonastre	Fecha de entrada:	06.05.2021
C/Ciudad de Sevilla, 3	Fecha de informe:	11.05.2021
46988 Pol.Fuente del Jarro (Valencia)	Inicio de análisis:	06.05.2021
España	Fin de análisis:	06.05.2021

Especie:	Perro
Raza:	Schnauzer miniatura
Sexo:	Hembra
Nombre:	WEN
Microchip:	941000026369834
Edad / Fecha de nacimiento:	19.02.2021
Material:	Sangre
Fecha:	05.05.2021
Propietario:	Marti Bonastre, José Vicente
Código paciente:	---

Sensibilidad al complejo Mycobacterium aviar (MAC) - PCR

Resultado: Genotipo N/N

Interpretación: El animal examinado es homocigoto para el alelo salvaje. No presenta la mutación responsable de MAC en el gen CARD9.

Heredabilidad: autosómica recesiva

Estudios científicos han encontrado correlación entre la mutación y los síntomas de la enfermedad en las siguientes razas: Schnauzer miniatura

Miotonía congénita - PCR

Resultado: Genotipo N/N

Interpretación: el animal examinado es homocigoto para el alelo salvaje. No presenta la mutación en el gen CIC-1 responsable de Miotonía congénita.

Heredabilidad: autosómica-recesiva.

Estudios científicos han encontrado relación entre esta mutación y los síntomas de la enfermedad en las siguientes razas: Schnauzer miniatura.

Atrofia Progresiva de Retina(PRA-Tipo B, HIVEP3) - PCR

Resultado: Genotipo N/N

Interpretación: el animal examinado es homocigoto para el alelo salvaje. No presenta la mutación de PRA en el gen HIVEP3.

Heredabilidad: autosómica recesiva

Estudios científicos han encontrado correlación entre la mutación y la presencia de síntomas de la enfermedad en las siguientes razas:
schnauzer miniatura

Neuropatía Charcot-Marie-Tooth (CMT) - PCR

Resultado: Genotipo N/N

Interpretación: el animal analizado es homocigoto para el alelo salvaje. No presenta la mutación responsable de CMT en el gen SBF2.

Heredabilidad: autosómica recesiva

Estudios científicos encontraron correlación entre la mutación y los síntomas de la enfermedad en las siguientes razas: schnauzer minitura.

Comma Defect (Spondylocostal Dysostosis) - PCR

Resultado: Genotipo N/N

Interpretación: el animal examinado es homocigoto para el alelo salvaje. No presenta la mutación en el gen HES7 responsable de Comma defect.

Heredabilidad: autosómica-recesiva.

Estudios científicos han encontrado relación entre esta mutación y los síntomas de la enfermedad en las siguientes razas: Schnauzer miniatura.

Persistent Müllerian Duct Syndrome (PMDS) - PCR

Resultado: Genotipo N/N

Interpretación: el animal examinado es homocigoto para el alelo salvaje. No presenta la mutación en el gen MISRII responsable de PMDS.

Heredabilidad: autosómica-recesiva.

Estudios científicos han encontrado relación entre esta mutación y los síntomas de la enfermedad en las siguientes razas: Schnauzer miniatura.

El resultado es válido sólo para el material recibido en el laboratorio. La responsabilidad acerca de la veracidad de los datos aportados corresponde al remitente. No se ofrecen garantías a este respecto. La garantía de compensación se limita legalmente al valor de la factura de los análisis realizados.

No se pueden excluir otras alteraciones genéticas que puedan influir en la expresión de la enfermedad o los criterios. Los análisis se realizan de acuerdo con los conocimientos científicos en ese momento.

El laboratorio está acreditado para realizar los análisis que corresponden a este resultado según la norma DIN EN ISO/IEC 17025:2018 (Excepto test realizados en laboratorios colaboradores).

Estos resultados se basan en el material de muestra enviado a nuestro laboratorio. Este material es adecuado salvo que se indique lo contrario. El remitente es responsable de la exactitud de la información relativa a la muestra. Este informe solo puede transmitirse íntegramente y sin cambios. Hacer lo contrario requiere el permiso por escrito de Laboratorio Veterinario Laboklin S.L.

Roberto Rey Conejo
Veterinario

*** FIN del informe ***



Laboklin App

PCR diagnostics for equine herpes virus

Due to the currently increased need for PCR tests for EHV1 and EHV4, we are performing this test for you up to 4 times a day. Results are usually available within 1-2 working days after arrival of the sample in the lab.