

Laboratorio Veterinario Laboklin, S.L.
Avenida de la Industria 4, Edif 3, Portal A, 1A
ES-28108 Alcobendas

Sr

José Vicente Marti Bonastre
C/Ciudad de Sevilla, 3

46988 Pol.Fuente del Jarro (Valencia) **Resultado**

España

Nº.: 2104-M-07643

Fecha de entrada: 15-04-2021

Fecha de salida: 15-04-2021

Datos del paciente:	Perro	Macho	* 08.08.2019
	Schnauzer miniatura		
Dueño del animal:	Marti Bonastre, Jose Vicente		
Tipo de muestra:	Sangre		
Toma de la muestra:	14-04-2021		

Nombre: **Gusteau**
Nr. Pedigree: **FCA 43630**
Nr. Chip: **032093900047315**
Nr. Tatuaje: **---**

Sensibilidad al complejo Mycobacterium aviar (MAC) - PCR

Resultado: Genotipo N/N

Interpretación: El animal examinado es homocigoto para el alelo salvaje.
No presenta la mutación responsable de MAC en el gen CARD9.

Heredabilidad: autosómica-recesiva

Estudios científicos han encontrado correlación entre la mutación y los síntomas de la enfermedad en las siguientes razas: Schnauzer miniatura

Miotonía congénita - PCR

Resultado: Genotipo N/N

Interpretación: el animal examinado es homocigoto para el alelo salvaje.
No presenta la mutación en el gen CIC-1 responsable de Miotonía congénita.

Heredabilidad: autosómica-recesiva.

Estudios científicos han encontrado relación entre esta mutación y los síntomas de la enfermedad en las siguientes razas: Schnauzer miniatura.

Atrofia Progresiva de Retina (PRA-Tipo B, HIVEP3) - PCR

Resultado: Genotipo N/N

Interpretación: el animal examinado es homocigoto para el alelo salvaje. No presenta la mutación de PRA en el gen HIVEP3.

Heredabilidad: autosómica recesiva

Estudios científicos han encontrado correlación entre la mutación y la presencia de síntomas de la enfermedad en las siguientes razas: schnauzer miniatura

Neuropatía Charcot-Marie-Tooth (CMT) - PCR

Resultado: Genotipo N/N

Interpretación: el animal analizado es homocigoto para el alelo salvaje. No presenta la mutación responsable de CMT en el gen SBF2.

Heredabilidad: autosómica recesiva

Estudios científicos encontraron correlación entre la mutación y los síntomas de la enfermedad en las siguientes razas: schnauzer minitu

Comma Defect (Spondylocostal Dysostosis) - PCR

Resultado: Genotipo N/N

Interpretación: el animal examinado es homocigoto para el alelo salvaje. No presenta la mutación en el gen HES7 responsable de Comma defect.

Heredabilidad: autosómica-recesiva.

Estudios científicos han encontrado relación entre esta mutación y los síntomas de la enfermedad en las siguientes razas: Schnauzer miniatura.

Persistent Müllerian Duct Syndrome (PMDS) - PCR

Resultado N°.: 2104-M-07643



Resultado: Genotipo N/N

Interpretación: el animal examinado es homocigoto para el alelo salvaje. No presenta la mutación en el gen MISRII responsable de PMDS.

Heredabilidad: autosómica-recesiva.

Estudios científicos han encontrado relación entre esta mutación y los síntomas de la enfermedad en las siguientes razas: Schnauzer miniatura.

El resultado es válido sólo para el material recibido en el laboratorio. La responsabilidad acerca de la veracidad de los datos aportados corresponde al remitente. No se ofrecen garantías a este respecto. La garantía de compensación se limita legalmente al valor de la factura de los análisis realizados.

No se pueden excluir otras alteraciones genéticas que puedan influir en la expresión de la enfermedad o los criterios. Los análisis se realizan de acuerdo con los conocimientos científicos en ese momento.

El laboratorio está acreditado para realizar los análisis que corresponden a este resultado según la norma DIN EN ISO/IEC 17025:2018 (Excepto test realizados en laboratorios colaboradores).

*** Fin del resultado ***

Roberto Rey Conejo
Veterinario